



Krakowscy naukowcy badali zmienność genetyczną wirusa SARS-CoV-2

2022-08-04

Naukowcy z Małopolskiego Centrum Biotechnologii UJ zrealizowali projekt monitorowania zmienności genetycznej wirusa SARS-CoV-2. Uzyskane wyniki posłużyły do lepszego zrozumienia rozprzestrzeniania się wirusa SARS-CoV-2 ze szczególnym uwzględnieniem sytuacji w Polsce. Monitorowane były zagrożenia, jakie mogą stwarzać nowe warianty genetyczne wirusa.

Zespół naukowców z Małopolskiego Centrum Biotechnologii UJ już na początku 2020 roku rozpoczął prace nad sekwencjonowaniem i monitorowaniem zmienności wirusa SARS-CoV-2. Krakowski ośrodek jako jeden z pierwszych rozpoczął analizę zmienności genetycznej koronawirusa.

W ramach projektu udało się zebrać w sumie 9558 próbek zawierających wirusa SARS-CoV-2, które posłużyły do uzyskania 8337 sekwencji wirusa. Zaobserwowano obecność 132 odrębnych wariantów wirusa SARS-CoV-2, spośród których 97,5 % stanowiły warianty niebezpieczne. Największy odsetek, tj. 38,3 % wszystkich próbek stanowił wariant Delta. Było to bezpośrednio związane z okresem realizacji projektu, który obejmował głównie jesienną falę zakażeń. Dwa pozostałe najczęściej wykrywane warianty Alfa oraz Omikron stanowiły kolejno 37,7 % oraz 21,2 %.

Projekt był realizowany we współpracy z Głównym Inspektoratem Sanitarnym i laboratoriami diagnostycznymi. Badanie dofinansowała Agencja Badań Medycznych.

Więcej informacji na stronie:

https://www.uj.edu.pl/wiadomosci/-/journal_content/56_INSTANCE_d82IKZvhit4m/10172/151250521